

РЕФЕРАТ

Методами електропорації, ЦТАБ, молекулярно-біологічним аналізом ДНК за допомогою ПЛР було проаналізовано проходження трансформації рослин салату (*Lactuca sativa L.*), які містять ген солодкого білку тауматину II. Солодкий білок тауматин покращує смакові якості рослин, а також підвищує стійкість до грибкових захворювань. Генетичну трансформацію проводили за допомогою бактерії *A. tumefaciens* (штам GV3101), що містить вектор pSV316. Отримана векторна конструкція, в якій на ділянці T-ДНК бактеріальної плазміди знаходився ген тауматину II (*thauII*), а також ген *bar*, що надає стійкість до антибіотиків, завдяки чому відібрали трансформовані клітини. Після двох місяців культивування експлантів, спостерігали регенерацію рослин. Через три місяці висаджували трансгенні рослини салату, що містять ген тауматину II в ґрунт.

Отже, в результаті проведеної трансформації агробактерії плазмідним вектором pSV316 були отримані бактеріальні лінії *A. tumefaciens*, які містять цей вектор. Було отримано чотири лінії трансгенних рослин салату, трансформовані геном тауматином II. За допомогою методу ПЛР-аналізу було підтверджено наявність генів *bar* та *thauII* в геномах трансформованих рослин салату.

Кваліфікаційна робота викладена на 50 сторінках, з них: розділ I займає 16 сторінок, розділ II – 11 сторінок, розділ III – 15 сторінок, ілюстрована 4 таблицями та 13 рисунками. Список використаних джерел включає 63 роботи.

Ключові слова: ген *thauII*, ген *bar*, *A. tumefaciens*, вектор pSV316, ПЛР аналіз.

Ярош Н. В.

