

АНОТАЦІЯ

Біоінформатичними методами проведено пошук генів, залучених до регуляції запліднення у ссавців. Матеріали для аналізу були отримані з наявних публікацій та баз даних Uniprot, Human (*Homo sapiens*) Sperm Proteome Database, ProteomeXchange та Gene Expression Omnibus.

За допомогою побудованих мереж білок-білкових взаємодій було виявлено 14 кластерів з 239 генами, сумарно, що беруть участь у взаємодіях між статевими клітинами. Була надана загальна характеристика кластерів, а також опис найбільш перспективних для подальшого дослідження генів.

Аналіз експресії генів епітеліальних клітин овідуктів виявив 139 генів, експресія яких була статистично достовірно змінена в ході культивування клітин з нормальними сперматозоїдами. 10 генів з найбільшим зниженням або підвищенням експресії були охарактеризовані детально.

Кваліфікаційна робота викладена на 58 сторінках, ілюстрована 4 таблицями та 16 рисунками. Список використаних джерел нараховує 64 робіт. Робота включає 2 додатка.

Ключові слова: запліднення, овідукти, експресія генів, білкові мережі.