

РЕФЕРАТ

Wolbachia є однією з найпоширеніших внутрішньоклітинних бактерій, яка суттєво впливає на фітнес та еволюцію виду-хазяїна. Дослідницькою групою Riegler та спів. вважається, що у XX ст. група генотипів wMelCS поступово витіснила групу генотипів wMel у природних популяціях *Drosophila melanogaster* по всьому світу. Проте поширення цих груп генотипів у природних популяціях *D. melanogaster* у Європі на даний момент не досліджено.

У роботі біоінформатичними методами було досліджено поширення груп генотипів wMel та wMelCS у природних популяціях *D. melanogaster* Європи. Було розроблено методологічний підхід *in silico* для генотипування *Wolbachia* у pooled-seq зразках *D. melanogaster*, що включав створення бази даних маркерних SNP для генотипування груп генотипів wMel та wMelCS, проведено генотипування *Wolbachia* у pooled-seq зразках з природних популяцій *D. melanogaster* Європи, охарактеризовано поширення груп генотипів *Wolbachia* wMel і wMelCS та обчислено їх відносні частоти у природних популяціях *D. melanogaster* станом на 2014 рік.

Виявлено наявність групи генотипів wMelCS у 9 природних популяціях *D. melanogaster* Європи: у Recarei, Португалії; Lleida, Іспанії; SouthQuensferry, Великобританії; Viltain, Франції; Karesminde, Данії; Єшилоз, Турції; Валдаї, Росії та Дрогобичі в Україні. Таким чином показано, що заміщення групи генотипів *Wolbachia* wMelCS групою генотипів wMel у природних популяціях *D. melanogaster* відбулося не повністю на території Європи у 2014 році.

Кваліфікаційна робота викладена на 50 сторінках, з них розділ I займає 16 сторінок, розділ II – 8 сторінок, розділ III – 21 сторінку. Робота ілюстрована 2 таблицями та 12 рисунками. Список використаних джерел включає 55 робіт.

Ключові слова: *Wolbachia*, групи генотипів wMel та wMelCS, *Drosophila melanogaster*, *in silico* генотипування, маркери SNP, Європа.