

Анотація

ПОЛІМОРФІЗМ ДОВЖИНИ ІНТРОНІВ ГЕНІВ β ТУБУЛІНУ У СОРТІВ TRITICUM AESTIVUM L. ТА HORDEUM VULGARE L.

Дипломна робота студентки 4 курсу денної форми навчання Волинської Єви
Борисівни Науковий керівник від кафедри к. б. н. Пірко Н. М.

Поліморфізм на основі тубуліну (ТВР) спочатку був введений як новий метод для визначення генетичного різноманіття рослин. ТВФ заснований на поліморфізмі, що є результатом ПЛР-опосередкованої ампліфікації першого інтрона в кодуючої області сімейства генів β -тубуліну.

До аналізу було залучено 30 сортів ячменю вітчизняної селекції та 7 сортів пшениці вітчизняної селекції. А виділення ДНК з проростків або насіння досліджуваних рослин проводили згідно ЦТАБ методу після чого був проведений ряд полімеразних ланцюгових реакцій проводили в мікропробірках на 200 мкл в ампліфікаторі Thermal Cycler 2720

Продукти ампліфікації розділяли за допомогою методу вертикального неденатуруючого електрофорезу в 6%-вому поліакриламідному гелі і візуалізацію фрагментів проводили шляхом фарбування нітратом срібла

Результати проведеного електрофоретичного аналізу свідчать про те, що під час ампліфікації утворюються амплікони (ділянки інтронів β -тубуліну) довжиною приблизно від 94 п.н. до 3000 п.н. – у випадку пшениці, та від 97 п.н. до 1500 п.н. – у випадку ячменю.

Більшість досліджених зразків характеризуються своїм специфічним набором смуг з певними відмінностями. Різниця в наборі ампліконів базується не лише на наявності специфічних смуг, але і на їх відсутності.

Доведено високий рівень диференційної спроможності методу поліморфізму довжини інтронів генів β -тубуліну при дослідженні міжсортового поліморфізму у пшениці (*Triticum aestivum*) та ячменю (*Hordeum vulgare*), що може бути використано при розробці селекційних програм для цих видів.

Волинська Е.Б

