

АНОТАЦІЯ

Проаналізовано можливості застосування методу оцінки поліморфізму довжин інтронів β -тубуліну (ТВР-метод) та його модифікації (hТВР-метод), у дослідженні природних популяцій егілопсів, для оцінки молекулярно-генетичної диференціації *Ae. biuncialis* на внутрішньовидовому рівні. Ці два методи можуть бути корисними для програм гібридизації пшениці, оскільки *Ae. biuncialis* є її диким родичем та може використовуватися для селекційного поліпшення пшениці, а ТВР та hТВР методи допомагають визначити різні зразки егілопсів.

Для отримання ТВР-профілю поліморфні фрагменти, отримані завдяки ПЛР, були розділені електрофорезом в поліакриламідному гелі (PAGE) з подальшою візуалізацією за допомогою нітрату срібла. Були встановлені діапазони варіювання довжин інтронів гену β -тубуліну та побудована дендрограма у програмі UPGMA між різними кримськими популяціями *Ae. biuncialis*. Було доведено, що обидві методика виявляють рівень ДНК поліморфізму як достатньо високий для того, щоб розрізнити різні зразки *Ae. biuncialis*.

Кваліфікаційна робота викладена на 40 сторінках, ілюстрована 3 таблицями та 4 мікрофотографіями. Список використаних джерел включає 55 робіт.

Ключові слова: молекулярно-генетичні маркери, ТВР (tubulin base polymorphism), β -тубулін, інтрон.